

ANEXO V – FORMULÁRIO INDICADORES DE IMPACTOS

Autor(a): Dulcília Carlos Guezimane Ernesto

Orientador(a): Thelma Sáfadi

Programa de Pós-Graduação em: Estatística e Experimentação Agropecuária

Título: Transformada de wavelet discreta não decimada para o agrupamento de genomas de vírus das famílias coronaviridae e paramyxoviridae

Tipos de Impactos:

(X) sociais (X) tecnológicos () econômicos () culturais () outros: _____

Áreas Temáticas da Extensão:

- | | |
|-----------------------------------|------------------------------|
| () 1. Comunicação | () 5. Meio ambiente |
| () 2. Cultura | (X) 6. Saúde |
| () 3. Direitos humanos e justiça | () 7. Tecnologia e produção |
| () 4. Educação | () 8. Trabalho |

Objetivos de Desenvolvimento sustentável (ODS) da ONU impactados

- | | |
|---|---|
| () 1. Erradicação da pobreza | () 10. Redução das desigualdades |
| () 2. Fome zero e agricultura sustentável | () 11. Cidades e comunidades sustentáveis |
| (X) 3. Saúde e Bem-estar | () 12. Consumo e produção responsáveis |
| () 4. Educação de qualidade | () 13. Ação contra a mudança global do clima |
| () 5. Igualdade de Gênero | () 14. Vida na água |
| () 6. Água potável e Saneamento | () 15. Vida terrestre |
| () 7. Energia Acessível e Limpa | () 16. Paz, justiça e instituições eficazes |
| () 8. Trabalho decente e crescimento econômico | () 17. Parcerias e meios de implementação |
| () 9. Indústria, Inovação e Infraestrutura | |

Impactos sociais, tecnológicos, econômicos e culturais

A tese apresenta impactos sociais e tecnológicos na área de saúde pois oferece metodologias distintas para que o pesquisador na área de saúde ou genética possa ter mecanismos de encontrar sequenciamentos genéticos que possam ser semelhantes e deste modo contribuir com a descoberta da cura para uma determinada doença. Portanto, tem-se como finalidade impactar principalmente pesquisadores das áreas de saúde e bem estar, e ao mesmo tempo impactar direta ou indiretamente a sociedade através da inclusão de metodologias que facilitem o processamento de informação em base de dados muito grandes. O trabalho apresenta uma fundamentação teórica na qual sustenta cada uma das metodologias propostas, juntamente com várias contribuições relacionadas a tecnologias de processamento de dados para uma base de dados muito grande, e as mesmas tecnologias aqui apresentadas podem ser aplicadas a outras famílias de vírus na área de saúde e bem estar de modo a modernizar a forma de análise de dados. O trabalho visa fornecer métodos que tornam mais simples a busca por técnicas de comparação entre sequenciamentos tornando deste modo mais necessária a relação entre a Estatística e a Genética. Portanto, teve-se como objetivo a implementação de formas distintas de análise de similaridade de sequenciamentos de duas famílias de vírus, sob o domínio das wavelets. Ao fim do estudo, tem-se como resultado um trabalho que fornece metodologias claras e exequíveis para qualquer família de virus sem restrição, e que pode ser usado por pesquisadores da UFLA e de diversas áreas com pesquisas relacionadas a genética, saúde e bem estar.

Social, technological, economic and cultural impacts

The thesis presents social and technological impacts in the healthcare field by offering distinct methodologies for researchers in health or genetics to have mechanisms for finding genetic sequences that may be similar and thus contribute to the discovery of a cure for a specific disease. Therefore, its purpose is to primarily impact researchers in health and well-being fields and, at the same time, directly or indirectly impact society through the inclusion of methodologies that facilitate information processing in very large databases. The work provides a theoretical foundation that supports each proposed methodology, along with several contributions related to data processing technologies for large databases. The same technologies presented here can be applied to other virus families in the healthcare domain to modernize data analysis methods. The work aims to provide methods that simplify the search for sequence comparison techniques, thereby emphasizing the relationship between Statistics and Genetics. Therefore, the objective was to implement distinct forms of sequence similarity analysis for two virus families under the domain of wavelets. At the end of the study, the result is a work that provides clear and achievable methodologies for any virus family without restriction, which can be used by researchers at UFLA and various fields with research related to genetics, health, and well-being.

Deleidia Ernesto

Assinatura da autora



Documento assinado digitalmente

THELMA SAFADI

Data: 18/06/2024 14:32:46-0300

Verifique em <https://validar.iti.gov.br>

Assinatura da orientadora